



Red
Estructura
Función y
Evolución de
Proteínas

Taller Modelado de Proteínas con Rosetta



Dr. Possu Huang

Diseño de motivos estructurales *de novo*

Dr. Sergey Ovchinnikov

Predicción de estructuras



Lunes 10

Rosetta principles

How to build ligands into Rosetta

Simple RosettaScripts

Martes 11

Homology modeling and Structure prediction

Bioinformatics tools

Gremlin models for *ab initio* prediction

Miércoles 12

Computational Protein Design

Protein-protein Docking with RosettaScripts

Protein design with RosettaRemodel

Viernes 14

Questions and Answers

Working in your own project

Closing remarks

10 al 14 de octubre 2016

Fac. Medicina y Fac. Química, UNAM

Cupo máximo de 20 alumnos. Se realizará una selección de los participantes, enviar un resumen de no más de 250 palabras indicando la importancia del uso de Rosetta en sus investigaciones. Se requieren conocimientos básicos del programa.



Contacto: Dr. Alejandro Sosa asosa@unam.mx
Información <http://taranis.cua.uam.mx/refep/>

